Анализ пространственной структуры белков в терминах матриц остаток-остаточных контактов. III. Сродство остатков

Родионов M. A. (Foreign) 1,

Гуревич А. В. 2,

Галактионов С. Г. (Foreign) 3

1993

- 1, 3 Foreign
- 2 Белорусский государственный университет информатики и радиоэлектроники

Ключевые слова:

Аннотация: Обсуждена возможность определения взаимного аминокислотных \mathbf{c} сродства остатков помощью описания трехмерной структуры белков в терминах матриц остатокостаточных контактов. Проверена нулевая гипотеза об отсутствии аминокислотными сродства между остатками; значения соответствующих элементов совокупных матриц остаточных контактов в 91% случаях не показали статистически значимых отличий от нулевой гипотезы. В 9% случаев нулевая гипотеза была отвергнута, что позволило выявить закономерность для остатков с заряженными боковыми группами, особенно в случае противоположно заряженных боковых групп.

Источник публикации: Молекулярная биология (1993), т. 27 (2), с. 363-370.